BUNDESREPUBLIK DEUTSCHLAND



DEUTSCHES
PATENT- UND
MARKENAMT

© Offenlegungsschrift © DE 100 55 789 A 1

(2) Aktenzeichen: 100 55 789.9
 (2) Anmeldetag: 10. 11. 2000

(3) Offenlegungstag: 6. 6. 2002

1 Int. Cl.7:

C 07 K 14/245

C 07 H 21/04 A 61 K 38/16 A 61 K 39/395 A 01 N 63/00 A 61 K 39/108 A 61 P 31/04

Serial No. 10/579,248 Group No. 1752 Confirmation No.7812

(7) Anmelder:

Pharma-Zentrale GmbH, 58313 Herdecke, DE

(74) Vertreter:

Harmsen & Utescher, Rechtsanwälte, Patentanwälte, 20457 Hamburg (72) Erfinder:

Hacker, Jörg, Prof. Dr., 97218 Gerbrunn, DE; Blum-Oehler, Gabriele, Dr., 97072 Würzburg, DE; Jung, Günther, Prof. Dr., 72076 Tübingen, DE; Hantke, Klaus, Prof. Dr., 72076 Tübingen, DE; Patzer, Silke, Dr., 71134 Aidlingen, DE; Moreno, Felipe, Prof. Dr., Madrid, ES; Baquero, Fernando, Prof. Dr., 28028 Madrid, ES; Baquero, Rosario, Madrid, ES; Bravo, Daniel, Cerceda, ES; Sonenborn, Ulrich, Dr., 44799 Bochum, DE; Schulze, Jürgen, Dr., 14558 Bergholz-Rehbrücke, DE; Proppert, Hans, 58095 Hagen, DE

Die folgenden Angaben sind den vom Anmelder eingereichten Unterlagen entnommen

Prüfungsantrag gem. § 44 PatG ist gestellt

- (A) DNA-Sequenz und Microcin aus Escherichia coli StammDSM 6601
- 57 Die Erfindung betrifft eine DNA-Sequenz mit der in Abbildung dargestellten Nucleotidfolge und das dadurch codierte Peptid, Derivate des Peptids sowie die Verwendung der DNA-Sequenz, des Peptids sowie der Peptidderivate.

1100. 1						
*144973***	tegtastest					
estat:te:e	ARCHUATEOU	LILLBERGE	407 101 4100	I CLARIES CO.	LANGERGE	120
2552115615	*********	resatanter.	ectgastatge		tastesest:	100
stattest pi	tigettrare	anattrect	CCRECGLACA	LIACELIAGE	*******	144
getgeterag	asgestyset.	Jacons 150	etegaatte.	ggt tecat ce	4:etgeat pe	104
£1024124FF	assessters.	get : ctecat	ttetertete.	ascciusett.		140
ottatteact.	Atetestata	getterme.	t 00 \$0 194 49		4169114160	426
********	saattetgue	atubateuct	#4pc#got gr	atuuseegt a	gitectiotes	610
	******	*********		CLESTACIET	C:CSATAGGS	400
ateustatet.	14:gestttg	attatageat	ttepgttase gtcagzetpe	*********	*********	440
#1934191988	1043864114	0000010010	3341400167	AT 991 C 04 C	41 0cr 243**	720
Baserale See	197176880	LILOUGALGE		192:156611		742
242722441	CERT BOEGLE	*******		*********	terpetures.	
4779415191	tatcesates	tttgttra:5	gacugtt	********	ggaget cc:g	740
titateigat	tgeteteagt	assagt scat	gtegtestat	IARCASIAL.	AALCALCIC	716
ggatetags	*********	gttegtgtgu	acasgattet		9349368966	1410
********	Be18341166	GE 887 8444C	arcácet bes	wite count	gegtetegtu	1015
getesteags	Est cococag	6264643484	4143611941	40:4066000	**********	1200
COPCULLATE	*********	********	1101144664	*********	**********	1240
1780001664	Bei secteut	CLASCOAGIU	444116466	FCT48348CF	gatt:tgata	1325
accatateta	ccagatogen	1202142613	acquetters.	********	ettascicte	1140
4181830990	egesutestt	at reapporat	Lasctascas	gegydetegee	*******	1414
1646191689	grana:ggtr	attercages	ACONCEL CEL	geaggetatt tgtf##tt#	abeagagree	1576
ICGARAGE LA	TTACELT BLE	61 81 94 31 CC		tger##tt#t	atttcggtte	1564
Brencurade	gaetatt egt	Letgesgeet	11000000001	********	Cantiferese.	1620
dtacegttas		4430016613	Catcasesc4	*******	**********	1666
*********	gaatergeen tecepater	gatgranens	eretescent	tesagtcett	gegat geet g	1740
4-446 16161	*********	9459444444	1114634919	2311333148	0241027100	1040
*********	ragintant.	444430FQE 6		********	Accest/ etc	1910
Astesquity	at at genets	9097031164	gtteeggtia	Etcattagac	Of a garcage C	1940
gratginger	regretterr	egceat get &	t payet est t	Ctuetangen	Estagascas	2649
atasotette.	STERR TRATE	sections	gezentanen	Casacct t 30	aguast cast	1:00
gquat surequ	********	yatuateace	coppet et tt	CACC GRASET	901:64+CIS	2140
egt ereetes	seatgecate	INTERCEME	1434+1115+	granctică:	egigetyste	7710
49cut + + + #0	gtarcey; ta	tgtactgcat	*** C48344.	********	eteteteppt	2140
*********	teagecoata	attiorgege	attgesettg	**********	CASTACTE AC	2120
441761944	SEALTS SA	grasatt;te	ISTC: CICA	creteattye	AGEAST CARE	1440
SESSE ANT SE	C98193884E	respecant	etgget ceti)	COALLECOOF	883884444	21:0
gggergerg.	recttetite.	.011090413	atgtsettta	tattgetuag		251¢
* ISAtact ac	atecategere.	cteacteatt	atquestene.	tratumata:	4249523649	2649
terunteret	Itaaccacct	tetesaseta	teappragest.	222234469	SCREARACTS.	2710
THE WOLDS CC	AGLOGCQ111	togetecett	gaçacttega	*******	tecescetgi	7110
4radreda33	Cant Cot Co.	eset attet#		******	gergergrea cetsattegt	2110
C. Get Botat	stertaretg	galagitele auggreente	Luggargess	Etattg: 209	80308ccc82	2740
Scender cer	********	ANGCELBENT	\$31 ME GCCA	COGTAGGES	403001111	3010
914999-668	2022005064	etggett446	CARRAGATE	ATSTRATORA	ttengniatt	1260
******	*********	getet:egg9	greet aset t	ettetgt1g0	egecegegat	1126
******	ettt41ggct	408recuebe	ettgtgetc)		244 445 4942	3144
stattta:42	Cattiggtte.	1111071979	CARLTTERE	at cquart sc	tregrigaca	1140
. Strettecte	I CAACI TOG	setsetgagt	cigest eatg	*grgGattgL	agaistigen	1100
ctetatgest	4992497884	*******	sttquestcg	C.4CCH.CO.	\$05ccc \$7 EE	3240
******	*********	******	*******		901 at t cant	3414
##444446E#	********	******	#3rdcfdett 1	********	tagastagta	1111
Tiggt Coat ;	*****	1224431834	9000111414	attateages	tatgaloger	1650
tgigttaige	AGGACTACCO	9518122564	gantenatt:	at geenstet	CLELGOUTCE	1460
ncagasesa.	********	ALEGATE 124	434t413164		tatteriest.	3720
gtgataetgs	********	9995t acgae	segreset so	*******	#2++9#1 ct t	3766
treggragte	********	tatattett	BECCENACLE		*******	3141
BET at a seas	#19489V1 ##	**********	ditecajest attettecar	ACADACTET :	C311441001	1111
setettare.	statte:tte	tattLeases!	CLUCKAATAT	escitiates.	STATE STATES	.620
234144424	********		t patrotque	trettttrett		
tattetttte	tetttcggtg	I CALLALACE	ttagttatta	Ctalggelat	*********	4149
ateraterat.	gttttlitta	teacttgtag	******	ategetgt #4	ttessegtge	4246
*********	cttcotesal	GIL et agega	**418468**	*1948****		4264
tgesetssen tggtttsett	CANALICATS	BAGSTGACCO LLACTAGECO	gastgarges	retattges	gagettetal	4244
44812441	getggtatgt g: ecetteat	SESCUTOR	dalace char	**fcccrac*	18:010000	****
*******	ELATPALETE	AB: CLORATE	*********		agrettrati	1100
*#CD486+91	COASTI CARR	BELTETALLE	ttestgange.	acquettace	wetweet cat	****
:***	represent at	gtaaegetet	*********	CCCCC\$14C\$	1324334111	4436
	3001001	patgecagte	egt ttaitt	tratestate	******	4500
*******	e:gt:eatge	gtatesct24	f edesatery.	etettplatt	CELECCATES.	4740
## F # F # F # F # F # F # F # F # F #	*********	agtoot et qu	Prattersage	1016104449	traptatatt	4800
21 contates	ternacjet	attanganage	1106041205	egreget gl ee	74010141	4433
*********	Ittaresser.	CTennangar	********	1450454151	LC-EALAGAG	****
		*******	trestanast.	Sesterges.	ansgacettt	
CERAGOS CAL	******	G ELT LEGGE	etgerages		4011061900	5100
teatestes.		*********	ameraterag		ectettect.	1220
	111170944Q		aragiggase stataagite	aagaatteg.	Staugestig	1730 1786
@ 8 8 E 8 8 F 9 E		********	Canacatton	- presente	gtaugesetg getgatgact	1110
estistis.	aut 19Catta	TEALLICE CO.				*14:
				-		

DD 100 00 107 13 1

Beschreibung

[0001] Die Erfindung betrifft eine DNA-Sequenz und ein neues hierdurch codiertes Microcin aus Escherichia coli Stamm DSM 6601.

[0002] Escherichia coli ist ein gramnegatives Bakterium, das in der menschlichen und tierischen Darmflora, aber auch extraintestinal vorkommt. E. coli tritt in zahlreichen Varianten auf, die sich hinsichtlich der Kapsel-, Oberflächen- und Flagellenantigene unterscheiden und in zahlreiche serologische Typen unterteilt werden können. Die Einordnung nach den Serotypen läßt allerdings keine Aussage über die unterschiedliche Virulenz der Keime zu. Vertreter ein- und desselben Serotyps können sowohl im menschlichen als auch im tierischen Körper ein unterschiedliches Pathogenitätspotential besitzen, das im Extremfall von avirulent bis hochgradig pathogen reichen kann. Der E. coli Stamm DSM 6601 gehört zu der Serogruppe O6:K5 und wird als nicht human und nicht tierpathogen bewertet.

[0003] Als Bakteriocine bezeichnet man spezifische Proteine, die von bestimmten Bakterien produziert werden und mit abtötender Wirkung gegen andere Stämme derselben oder einer nahe verwandten Bakterienart gerichtet sind. Es sind bereits über zwanzig Colicine aus E. coli bekannt, die jeweils hohe antibakterielle Spezifität aufweisen. Zu den Bakteriocinen zählen auch die sogenannten Microcine, die u. a. auch von bestimmten E. coli-Stämmen produziert werden. Bakteriocine werden, abgesehen von ihrer antibiotischen Wirkung, für die Taxonomie von Bakterienstämmen eingesetzt. [0004] Es war bekannt, daß E. coli Stamm DSM 6601 antibiotische Aktivität aufweist, die dem Vorhandensein eines Microcins zugeschrieben wurde, das im folgenden als Microcin M (McmC) bezeichnet wird. Versuche, das Peptid durch Anreicherung aus Flüssigkulturen oder durch Extraktion von Kulturen auf Agarplatten oder aus dem Agar anzureichern, brachten keine verwertbaren Ergebnisse. Es wurde daher versucht, das Microcin mit Hilfe genetischer Methoden zu identifizieren. Mit dem oben genannten Stamm von E. coli wurde eine Mu-Mutagenese durchgeführt. Der Phage Mu kann sich nach Infektion einer Bakterienzelle wie ein Transposon verhalten und an einem beliebigen Ort in der DNA integrieren und dadurch eine Mutation hervorrufen. Im vorliegenden Fall wurde der Phage Mud 1 nach der Vorschrift von Casadaban (Casadaban und Cohen, 1979, Proc. Natl. Acad Sci. 76, 4530-4533) verwendet. Durch die Mutagenese wurde eine Mutante isoliert, die kein Microcin mehr produzierte. Aus der chromosomalen DNA dieser Mutante wurde das für die Microcinsynthese kodierende DNA-Fragment isoliert und nach Insertion in den Vektor pUC18 und PCR-Amplifikation kloniert und sequenziert.

[0005] Überraschenderweise wurde anhand der Sequenzanalyse festgestellt, daß die mcm-Region aus E. coli DSM 6601 einen dem Colicin V ähnlichen Hemmstoff kodiert, der im folgenden Microcin M (McmC) genannt wird. Die Abb. 1 zeigt die entsprechende Sequenz der mcm-Region.

[0006] Die Abb. 1a zeigt in der Übersicht die in diesem Bereich aufgrund der DNA-Sequenz vorhergesagten Gene. Die Genprodukte McmA und McmB zeigen hohe Sequenzähnlichkeit zu den Exportproteinen für Colicin und Microcin 24. Es folgt das Gen mcmI, dessen Produkt nur geringe Ähnlichkeit zu den Immunitätsproteinen der beiden obigen Microcine zeigt. Direkt im Anschluß wird das Microcin M (McmC) kodiert. Das darauf folgende Gen mcmP wird in entgegengesetzter Richtung abgelesen und wirkt aufgrund seiner Homologien zum cvpA-Gen (Colicin V Produktion) bei der Expression von McmC mit. Stromauf vom mcmA-Gen liegt das Gen mcmD, dessen Produkt Ähnlichkeit mit den fettsäureübertragenden Proteinen (Transacylasen) aufweist, die auch in die posttranslationale Modifikation der E. coli-Hämolysine involviert sind.

[0007] Zur Erläuterung wird darauf hingewiesen, daß das Protein CvaB zur Familie der MDR-Proteine (Multi-Drug-Resistance) gehört, die ATP-abhängig den Export oder Import von kleinen Substanzen, aber auch den Export von Proteinen katalysieren. Es handelt sich um Proteine mit 6 oder 8 hydrophoben Helices in der Membran und einer Domäne mit einer ATP-spaltenden Aktivität, womit der Transportvorgang energetisiert wird. Die ATP-spaltende Aktivität kann auch als separates Protein vorliegen. CvaB und zehn weitere verwandte Proteine besitzen im Gegensatz zu anderen MDR-Proteinen eine N-terminale Domäne mit Cysteinproteinase-Aktivität im Cytoplasma. Diese Proteinase spaltet beim Export eine kleine Leaderpeptidsequenz vom N-terminalen Ende des Colicins V ab und zwar nach der Gly-Gly Erkennungssequenz (siehe Pfeil bei dem Homologieversuch in Abb. 1a). Eine solche Gly-Gly Sequenz findet sich auch in der abgeleiteten Sequenz für das unreife McmC, einem Peptid aus 92 Aminosäuren. Für das reife McmG-Peptid ist somit eine Kettenlänge von 77 Aminosäuren vorgegben.

[0008] Das Protein CvaA wird über eine alpha-Helix in der Cytoplasmamembran verankert und dient als Verbindungsprotein (Connector) zur äußeren Membran. In der äußeren Membran bindet CvaA an das TolC Protein. Soweit bekannt, bilden die Proteine CvaB, CvaA und TolG einen Proteinkomplex, der den Export von Colicin V über die Cytoplasmamembran und die äußere Membran in einem Schritt katalysiert. Sehr ähnliche Exportapparate hat man z. B. für das E. coli-Hämolysin oder für Proteinasen aus Erwinia-Arten gefunden. Aufgrund der hohen Ähnlichkeit zu CvaA und CvaB dürften das McmA und McmB dieselben Funktionen beim Export und bei der Reifung von McmC erfüllen.

[55 [0009] In den nachfolgenden Tabellen ist die prozentuale Identität der Microcine, der Exportproteine und der Immunitätsproteine sowie die prozentuale Identität im Vergleich zu anderen verwandten Proteinen zusammengestellt:

60

65

Tabelle 1a

Identität der Microcine im Einzelvergleich in Prozent

·	ColV	McmC	Mic24	MicE492
ColV -	100	35	19	15
McmC		100	10	28
Mic24			100	. 45
MicE492				. 100

Tabelle 1b

Identität der dem CvaA ähnlichen Exportproteine im Einzelvergleich in Prozent

	CvaA	McmA	MtfA	<u> </u>
CvaA	100	97	71.	
McmA		100	71	
MtfA			100	

Tabelle 1c

Identität der dem CvaB verwandten Exportproteine in Prozent

	CvaB	McmB	MtfB	
CvaB	100	89	73	
McmB		100	75	<u> </u>
MtfB			100	- ;

Tabelle 1d 45

Prozentuale Identität im Vergleich zu anderen McmD verwandten Proteinen. Abkürzungen: HlyCneim ein HlyC ähnliches Protein aus Neisseria meningitidis; HlyCec HlyC Protein aus Escherichia coli

	McmD	HlyCneim	HlyCec
McmD	100	25	12
HlyCneim		100	11
HlyCec			100

Tabelle 1e

Prozentuale Identität der Immunitätsprotein eim Einzelvergleich. Abkürzungen: Cval – Immunitätsprotein von ColV, McmI – Immunitätsprotein von Microcin McmC, MtfI – Immunitätsprotein von Microcin M24

Mcml	Mtfl
23	14
	22
	100
	100

[0010] Aufgrund der DNA-Analyse ergibt sich für die neue Substanz ein Peptid mit 77 Aminosäuren, das aufgrund seiner Größe den Microcinen zugerechnet wird. Dieses reife Microcin (MemC) zeigt aber nur geringe Sequenzhomologie zu bekannten Polypeptiden wie z. B. Colicin V.

[0011] Zur Synthese und zur näheren Untersuchung des Peptids wurden überlappende Oligopeptide mit jeweils fünfzehn Aminosäuren synthetisiert, also 1 bis 15, 5 bis 20, 10 bis 25 usw., und zwar durch Oligopeptidsynthese unter Anwendung der Fmoc-Strategie auf einem Polystyrol-1% Divinylbenzolharz mit 2-Chlortriphenylmethylchlorid als Linker. [0012] Die Gesamtsynthese des Microcin-Peptids kann in an sich bekannter Weise durch Segmentkondensation auf dem Harz unter Verwendung von drei bis vier Peptid-Segmenten und Einsatz des ABI-Peptidsynthesizers erfolgen, wobei vorzugsweise so vorgegangen wird, daß mit dem an das Harz gebundenen Segment I., bestehend aus den Aminosäuren 77 bis 54, die gereinigten Segmente II. (Aminosäuren 53 bis 24) und III. (Aminosäuren 23 bis 1) gekoppelt werden. [0013] Die Herstellung von Lipopeptidmischungen zur Gewinnung von Antiseren erfolgt in an sich bekannter Weise, wobei Pam₃Cys-Lys-Ser-Peptide zur Immunisierung verwendet werden können.

[0014] Zur Beschichtung von Streptavidinplatten für ELISA-Teste werden in an sich bekannter Weise Biotinyl-Aca-Aca-Peptide verwendet, wobei diese Beschichtungen sowohl mit den entsprechenden Einzelpeptiden als auch mit einer Mischung von Peptiden durchgeführt werden können.

[0015] Im folgenden wird die Erfindung anhand der Beispiele näher erläutert:

30 Beispiel 1

1

45

Identifizierung und Sequenzanalyse der mcm-Region aus E. coli DSM 6601

[0016] Nach dem Verfahren von Casadaban et al. wurde eine Mutante, die kein Microcin mehr produzierte, im Plattentest mit dem Indikatorstamm H1941 identifiziert. Chromosomale DNA dieser Mutante wurde isoliert und mit dem Restriktionsenzym HincII verdaut, danach mit dem mittels Smal geschnittenen Vektor pUC18 ligiert und mit den Primern MuD1 (spezifisch für ein Mu-DNA-Ende) und UNI (spezifisch für den ligierten pUC18 Vektor) in einer PCR amplifiziert. Das DNA-Fragment wurde nach bekannten Verfahren (J. Sambrook, E. F. Fritsch, T. Maniatis; Molecular Cloning, Cold Spring Harbor Laboratory Press, Cold Spring Harbor, 1989) kloniert und sequenziert. Es stellte sich heraus, daß dieses DNA-Fragment hohe Sequenzähnlichkeit zu dem Colicin-V-Exportprotein B aufwies. Klonierung und Sequenzanalyse des gesamten Bereiches zeigten, daß diese Region einen dem Colicin V ähnlichen Hemmstoff kodiert.

Beispiel 2

Synthese des Microcins

[0017] Die Aminosäuresequenz des Microcin McmC läßt sich aus der DNA der Region, die dieses Peptid kodiert, ableiten und ergibt sich aus der beigefügten Abb. 3.

[0018] Zur Synthese des Peptids werden in an sich bekannter Weise (G. Jung, Ed.; Combinatorial Peptide and Non-Peptide Libraries, Wiley VCH, Weinheim, 1996) Oligopeptide mit fünfzehn Aminosäuren synthetisiert, die überlappend die Aminosäuren 1 bis 15, 5 bis 20, 10 bis 25, 15 bis 30 usw. aufweisen. Die Synthese erfolgt unter Verwendung von Fmoc-Schutzgruppen auf einem Polystyrol-1%-Divinylbenzolharz nach dem Merryfield-Verfahren mit 2-Chlortriphenylmethylchlorid als Linker.

[0019] Nach hinreichend langer Synthesedauer werden in den jeweiligen Ansätzen die Peptide vom Harz gelöst und unter Verwendung von HPLC und ES-MS-Spektroskopie untersucht. Die Sekundärstruktur kann zum Teil durch Untersuchung des Circulardichroismus festgestellt werden.

[0020] Die Gesamtsynthese des Peptids aus siebenundsiebzig Aminosäuren erfolgt unter Verwendung eines ABI-Peptidsynthesizers unter Kondensation von Peptidsegmenten auf dem Harz, wobei vorzugsweise mit dem harzgebundenen Peptidsegment I. (Aminosäuren 77 bis 54) angefangen wird und dann die gereinigten Segmente II. (Aminosäuren 53 bis 24) und III. (Aminosäuren 23 bis 1) gekoppelt werden.

[0021] Die freien Peptide können über HPLC gereinigt werden, wobei die Reinheit für die Derivatisierung etwa 90% betragen sollte.

[0022] Für die Derivatisierung zur Herstellung von Lipopeptiden wird nach publizierten Verfahren vorgegangen (K.-H. Wiesmüller, G. Jung, G. Hess; Vaccine 7: 29–33, 1989; G. Jung, K.-H. Wiesmüller, G. Becker, H.-J. Bühring, WG Bessler; Angewandte Chemie [Internat. Ed.] 24: 872–873, 1985). Die Herstellung von für ELISA-Teste geeigneten biotinylierten Peptiden erfolgt ebenfalls nach bereits publizierten Verfahren (G. Jung, Ed.; Combinatorial Peptide and Non-Peptide Libraries, Wiley VCH, Weinheim, 1996).

עם זעט טט זעט העז

SEQUENZPROTOKOLL

<110> Pharma-Zentrale GmBH	
<120> DNA-Sequenz und Microcin aus Escherichia coli Stamm DSM 6601	5
<130>.PT66/000	10
1140. pm 10055700 0	
<140> DE 10055789.9 <141> 2000-11-10	
<160> 1	15
<170> PatentIn Ver. 2.1	
	20
<210> 1	
<211> 5381	
<212> DNA	25
<213> Escherichia coli	23
<400> 1	
ataagggaaa tagtaatcat gtcttatata agggaaacca tcagaggaaa agatgaatgg 60	30
actgtttatg aacagatcgg ttttgcggtc agttgtatgc tctacaatcg-taattacagt 120	
ctgtatccgg tgttaaccat tcaatactgg actgaatatg cgatacagca taatcagatt 180	
aaattootgt ttgattoacg aggttttoca otggogtata ttacotgggo atatottgag 240	
gctgatacag aagcacgcct gctcagggat ccagaattca ggttgcatcc gtctgaatgg 300	35
aatgaagatg gaaggatctg gattctggat ttctgttgta aaccaggctt tggtcgaaaa 360	
gttattgact atctcataca gcttcagcca tggggagaag gagaagtacg atggttaagc 420	
aggegaaaga aaattgtgae atacateeet gageggetge ataaaaegta gtacetetga 480	40
agatacagag ataattgtaa attacggggt aaatgcatcg ctgatactat tttgacagga 540	
ctctgtattt tctggctttg attatagcat ttcggttaac cagtgaaggt attacaggaa 600	
aagtgtgagt aagaggagct attttgtttc gtcaggatgc tttagaaaac agaaaaatga 660	
agtggcaggg acgggcaata ttacttcccg gaataccact atggttaatc atgctgggaa 720	45
gcatagtgtt tattacggca tttctgatgt tcattattgt tggtacctat agccgccgtg 780	
ttaatgtcag tggtgaggtc acaacctggc caagagctgt caatatatat tcaggtgtac 840	
agggatttgt tgtcaggcag tttgttcatg aaggacagtt gataaaaaa ggggatcctg 900	
tttatctgat tgacatcagt aaaagtacac gtagtggtat tgtcactgat aatcatcgtc 960	50
gggatataga aaaccagctg gttcgtgtgg acaagattat ttcccgtctg gaagaaagta 1020	
aaaaaataac gctggatacc ctggaaaaac aacgcctgca atacacagat gcgtttcgtc 1080	
gctcatcaga tattatacag cgtgcagagg aagggataaa aataatgaaa aacaacatgg 1140	55
agaattacag aaactatcag acaaaagggc tgattaataa agatcagtta actaaccagg 1200	
tggcattata ttatcagcaa caaaacaatc ttcttagcct gagcggacag aacgaacaga 1260	
atgccctgca gataaccact ctggagagtc agattcagac tcaggcagca gattttgata 1320	
accgtatcta ccagatggaa ctgcaacggt acgagttaca gaaagaactg gttaacactg 1380	60
atgtggaggg cgaaatcatt atccgggcgt tgactgacgg gaaagttgac tccctgagtg 1440	
tcactgtcgg gcaaatggtc aatcccggag acaaccttct gcaggttatt cctgagaaca 1500	
tigaaaatta tiatettati etetgggtee egaatgatge tgtteettat attteggetg 1560	
	65

```
gtgacaaagt gaatattcgt tatgaagcct ttccggcaga aaaatttggg cagttttctg 1620
   ctacggttaa aactatatcc aggactcctg catcaacaca ggaaatgttg acctataagg 1680
   gagcaccaca gaatacgccg ggcgcctctg ttccctggta taaagtcatt gcgatgcctg 1740
   aaaagcagat tatcagatat gacgaaaaaa acctccctct ggaaaatgga atgaaagccg 1800
   aaagtacact atttctggaa aaaaggcgta tttaccagtg gatgctttct cctttctatg 1860
   acatgaaaca cagtgcaaca ggaccgctca atgactaacg ggaatttcag acaaattata 1920
   aatcagettg atatgegetg gegaegtegt gtteeggtta tteatcagae ggagaeeget 1980
   gaatgtggac tggcctgcct ggcaatgata tgcggtcatt ttggtaagaa tattgacctg 2040
   atatetette gtegtaagtt taateteteg geeegtggag caaacettge aggaateaat 2100
   ggaatagcgg agcagctggg gatgatcacc cgggctcttt cactggagct ggatgaactt 2160
   ggtgccctca aaatgccgtg tattctccac tgggatttca gtcacttcgt cgtgctggtc 2220
   agcgtaaagc gtaaccgtta tgtactgcat gatccggcca gaggaagaag atatctcggt 2280
   cgggaggaaa tgagccggta ttttacgggc attgcacttg aggtctggcc cggaggtgaa 2340
   ttccggacgg aaacccagca aacccgcata agtctccgtt cactgattaa cagtatttac 2400
   ggtattaaaa gaacactggc gaaaattttc tgtctgtcag ctgtaattga agcaatcaat 2460
   ctggtaatgc cggtgggaac tcagctggtt atggatcatg cgattccggc gggggaccga 2520
   gggctgctga cgcttatttc tgctggcctg atgttcttta tattgctcag ggccgcggtg 2580
   agtatgctgc gtgcatggtc ctcactggtt atgagcacgc tcatcaatat acagtggcag 2640
   tegggtetgt ttaaceacet teteagactg cegetggeat tttttgaacg cegtaaatta 2700
   ggtgatatcc agtcgcgttt tggctccctt gacactttga gggccacctt taccacctgt 2760
   gtggttgggg caatcatgga cagtattatg gttgtgggtg tttttgtgat gatgctgtta 2820
   tatggaggat atcttacctg gatagttctc ggttttacca tggtttacgt tcttattcgt 2880
   ctggtgacat acggctatta ccggcaaata tcggaagaaa ctcttgtcag gggggcccgg 2940
   gccagctcct attttatgga aagcctgtat ggtattgcca cggtaaaaat ccagggtatg 3000
   gtcgggatcc ggggaacaca ctggcttaac ctgaaaatag atgcgatcaa ttcaggtatt 3060
   aagttaacca ggatggattt gctcttcggg ggaataaata cttttgttgc cgcctgtgat 3120
   caggtggcga ttttatggct gggtgcaagc cttgtgatcg ataatcagat gacaataggg 3180
   atgtttgtgg catttggttc ttttcgtggg cagttttcgg atcgggttgc ttcgctgacc 3240
   agitttette tteaactgag aataatgagt etgeataatg agegeattge agatattgea 3300
   ctacatgaaa aggaagaaaa gaaaccggaa attgaaatcg ttgctgacat gagcccggtt 3360
   tcactggaaa ccactgattt aagctaccgg tatgacagcc agtcagcaca ggtattcagt 3420
   ggtctgaatt tgtctgtggc tccgggagaa agtgtggcta taactggtgc ctccggtgcc 3480
  ggaaaaacca cattaatgaa agtattatgt ggactgtttg aaccagatag tggaaaagta 3540
   ctggttaatg gcacggatat acgtcaactt ggaataaata attatcaccg tatgatagcc 3600
   tgtgttatgc aggacgaccg gctattttca ggatcaattc gtgaaaatat ctgtgggttt 3660
   gcagaagaaa cagacgacga atggatgaca gaatgtgcca gagcaagtca tattcatgat 3720
   gtgataatga aaatgccaat ggggtatgaa acgttaatag gtgaactggg ggaaggtctt 3780
   tccggcggtc aaaaacagcg tatattcatt gcccgagctt tataccggaa acctggaata 3840
   ttatttatgg atgaggctac aagttctctt gatacagaaa gtgaacgttt cgttaatgct 3900
55 gccataaaaa aaatgaatat cacccgggtg attattgcac acagagaaac tacgttgaga 3960
   actgttgaca ggattatttc tatttaaaat ccactggtgt aactttgtaa ggagttttgt 4020
   cgatggggga ggtcaagaag gatataaaaa taacagtgat tgcttttgtt atcaattatc 4080
   tgttctttta tattccggtg tcattatatc ttagttatta ctatggatat aatttttta 4140
  atctatatat gtttttttta tcacttgtag ttacattttt atcgttgtgg ttaaacgtga 4200
   attittacti etteacaaat ettatagega aggigtigaa atgagaaaae tateigaaaa 4260
   tgaaataaaa caaatatctg gaggtgacgg gaatgacggg caggcagaat taattgctat 4320
   tggttcactt gctggtacgt ttattagccc gggatttggt tctattgcag gggcttatat 4380
  aggtgataaa gtacattcat gggcaacgac tgcgacggtt agtccctcca tgtctccctc 4440
```

עטו עט טט זען נוען דע

aggtatagga	ttatcatccc	agtttggatc	cggcagaggt	acatcaagtg	cctcttcgtc	4500	
tgcggggagt	ggaagttaaa	ccttatattg	ttaatgaagc	acctgttaca	ggtgcttcat	4560	
tatatgataa	tggtgcctat	gtaacgcttt	aagttaggct	cctccgaacg	tttattattt	4620	_
tatgcatacc	gcatagtaac	aatgccagtc	cgtttaattt	ttatcatatg	agattgtaac	4680	3
agaaaatgct	ctgttaatga	.gtataactga	tagaagccag	atattgtatt	cctgctatga	4740	
ctgcattcat	cgacatgtga	ägtaatatgg	gcattaacag	gccattcgac	tttatttttg	4800	
cactaataag	aactaacgat	accagaaaga	gcatcaaaaa	tgtatgaaag	tcagtatatt	4860	10
gtagatgtaa	tgcagaaaat	atgactgatg	ttacaatagc	agaggtgtaa	atattgtcat	4920	
taaaccagaa	tttaaaagag	ttaaaaagac	accctcgaaa	tacaatctct	tcatatacag	4980	
gaacaagaag	tacagaagaa	aatatattaa	tccataaaat	ggctccggaa	aaagacattt	5040	
gcgągatcat	ccattcttcc	gttttcctca	ctgccagcag	ataaġggacą	aataactgaa	5100	15
	taaagagaaa						
atccttctct	ttttcggaag	aaaataaaat	acagtggaac	aagaattaga	aattcagcaa	5220	
gaaataatgc	tggaacaaga	agtcccctgg	atataagttc	ctgcctgttt	gtaagaaatg	5280	20
caggaataaa	ggtaatagaa	aatgataaag	taaacattga	aaagcagccg	gctgatgact	5340	20
gttttttat	agttgcattt	ttattttttg	tcatttccat	t ·		5381	
•			Patentansprüche	:			25
1 DNA-S	equenz mit der in	Ahh 1 dargestel	lten Nucleotidfol	ge.			
	dung der DNA-So				Analytik und/oder	Diagnostik.	
					ressionsvektor od	er als Bestandteil	
	Copy-Plasmiden : nit der in Abb. 2			en Wirkstoffes.			30
Verwen	dung des Peptids	nach Anspruch 4	zur Herstellung v				
Verwen schen Zwe	dung des Peptides	s nach Anspruch	4 als antimikrobie	eller Wirkstoff zu	mikrobiologisch	en oder medizini-	
	eken. eptide mit den in A	Abb. 3 dargestellt	en Aminosäurese	quenzen.			35
8. Verwen	dung der Oligope	ptide nach Anspr	uch 7 zur Herstel	lung von Antipep			
9. Verwen zinischen 2	dung der Oligope Zwecken	ptide nach Anspri	uch 7 als antimikr	obielle Wirkstoff	e zu mikrobiologi	schen oder medi-	
	eptide nach Anspr	ruch 4 oder 7, gek	ennzeichnet durc	h Kopplung zu P	am ₃ Cys-Lys-Ser-	Peptiden.	
	e nach Anspruch					den.	40
	ndung der Lipope ndung der Peptide						
	S						

Hierzu 4 Seite(n) Zeichnungen

- Leerseite -

	1145					
ID	MCM	PRELI	MINARY; [NA: 5381	R D	
SQ	SEQUENCE	· PIRI Bb·	1601 3.	071 0		_
	ATAAGGGAA	A TAGTAATCA	T CTCTTION	1372 6;	1269 G; 19	540 T; 0 OTHER;
	ACTGTTTAT	G 33C3C3MCC	C CTCTIATAT	A AGGGAAAC	CA TCAGAGGA	AA AGATGAATGG
	CTCTATCCC	G AACAGATCG	G TTTTTGCGGT	C AGTTGTAT	GC TCTACAATO	AA AGATGAATGG CG TAATTACAGT
	CIGIMICEG	G TGTTAACCA	T TCAATACTG	G ACTGAATA	TG CGATACACO	CG TAATTACAGT CA TAATCAGATT
	AAATTCCTG	T TTGATTCAC	G AGGTTTTCC	A CTGGCGTN	TO CONTACACO	CA TAATCAGATT GC ATATCTTGAG
	GCTGATACA	G AAGCACGCC	" GCTCACCCA	m colocula	TA LINCCLGGG	GC ATATCTTGAG GC GTCTGAATGG
	AATGAAGAT	G GAACGAMCM	Contractor.	T CCAGAATT	CA GGTTGCATO	CC GTCTGAATGG TT TGGTCGAAAA
	CEMILENCE	O GRAGGAICI	G GATTCTGGA	T TTCTGTTG	TA AACCAGGCT	T TGGTCGAAAA
	GITATTGAC	T ATCTCATAC	A GCTTCAGCC	A TGGGGAGA	AG GAGAAGTAG	TT TGGTCGAAAA G ATGGTTAAGC
	AGGCGAAAG.	A AAATTGTGA	C ATACATOC	T GAGCGGCT	CC AMARAGE	G ATGGTTAAGC A GTACCTCTGA
	AGATACAGA	G ATAATTGTA	ATTACCCC	7 3337000CT	C ATAAAACGT	A GTACCTCTGA TTTGACAGGA
	CTCTGTATT	T TCTCCCTTC	ATTACGGGG	T AAATGCAT	CG CTGATACTA	T TTTGACAGGA T ATTACAGGAA
	NACTOR AND	I ICIGGCTTT(ATTATAGCA	${f T}\cdot {f TTCGGTTAL}$	AC CAGTGAAGG	T ATTACACCAA
	AAGTGTGAG	<pre>1 AAGAGGAGC:</pre>	F ATTTTGTTT	C GTCAGGATO	C TTTACAAA	T ATTACAGGAA C AGAAAAATGA
	AGTGGCAGG	G ACGGGCAAT:	A TTACTTCCC	G GAATACCA	TILLONALA	C AGAAAAATGA
	GCATAGTGT	TATTACGCC	י שייייייייייייייייייייייייייייייייייי	T WCLARL	T ATGGTTAAT	C AGAAAAATGA C ATGCTGGGAA
	TTAATCTCA	TCCTC>CCC	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	1 TUATTATTO	FT TGGTACCTA	C ATGCTGGGAA T AGCCGCCGTG T TCAGGTGTAC
	\CCC\ TEE=	3 IOGIGAGGI(- ACAACCTGG	CAAGAGCT(T CAATATATA	T TO ACCIDENCE OF C.
	AGGGATTTG	r TGTCAGGCA(TTTGTTCAT	3 AAGGACAG1	ממבמבדבם די	T TCAGGTGTAC A GGGGATCCTG
	TTTATCTGA	r rgacatcagi	AAAAGTACA	GTAGTGGT?	T OULTANAMA	A GGGGATCCTG T AATCATCGTC
	GGGATATAG;	A AAACCAGCTC	GTTCCTCTC	COLNOIGGIA	T TGTCACTGA	T AATCATCGTC G GAAGAAAGTA
	AAAAAATAA	CCTCCAMACC	011001010	ACAAGATT;	AL LICCCCLCL	G GAAGAAAGTA T GCGTTTCGTC
	COMOLEGIA	- GCIGGATACC	CTGGAAAAA(AACGCCTGC	A ATACACAGA	T GCGTTTCCTC
	GUTUATUAGA	A TATTATACAC	CGTGCAGAGG	AAGGGATAA	A AATAATCAA	T GCGTTTCGTC A AACAACATGG
	AGAATTACAC	AAACTATCAC	ACAAAAGGGG	TGATTANTA	a relimitationa	A AACAACATGG A ACTAACCAGG
	TGGCATTATA	TTATCAGCA	C) 1220000	TOATTAATA	LA AGATCAGTT	A ACTAACCAGG G AACGAACAGA
	ATGCCCTGC	CATACCCC	CAAAACAATC	TTCTTAGCC	T GAGCGGACA	G AACGAACAGA
	3.000001007	SATAACCACT	CTGGAGAGTC	: AGATTCAGA	C TCAGGCAGC	G AACGAACAGA A GATTTTGATA
	ACCGIAICTA	I CCAGATGGAA	CTGCAACGG1	ACGAGTTAC	A GAAAGAACM	A GATTTTGATA G GTTAACACTG
	ATGTGGAGGG	CGAAATCATT	ATCCGGGCG1	TGACTCACC	C C))) Common	G GITAACACTG
	TCACTGTCGG	GCAAATGGTC	AATCCCCCAC	. JOYSCOME	G GAAAGTTGA	G GTTAACACTG C TCCCTGAGTG T CCTGAGAACA
	TTGAAAATTA	TTATCTTATT	CTCTCCCCCCCC	ACAACCTIC	T GCAGGTTAT	T CCTGAGAACA
	GTG2C222CT	. COOMOGRACO	CICIOGGICO	CGAATGATG	C TGTTCCTTA	T CCTGAGAACA T ATTTCGGCTG
	CETTCHCHAGI	GAATATTUGT	TATGAAGCCI	` TTCCGGCAG	A AAAATTTGG	PATTTCGGCTG GCAGTTTTCTG
	CIACGGTTAA	AACTATATCC	AGGACTCCTG	CATCAACAC	A GGANAMONM	G CAGTTTTCTG G ACCTATAAGG
	GAGCACCACA	GAATACGCCG	GGCGCCTCTC	TTCCCTCCT	A GOARAIGII	G ACCTATAAGG T GCGATGCCTG
	AAAAGCAGAT	TATCAGATAT	C3CC333333	110001661	A TAAAGTCAT	T GCGATGCCTG A ATGAAAGCCG
	AAAGTACACT	ATTTCTCC	CACGAAAAA	ACCTCCCTC	T GGAAAATGG	A ATGAAAGCCG CCTTTCTATG
	3C3TC333C1	41-1C1GG4A	AAAAGGCGTA	. TTTACCAGT	G GATGCTTTCT	CCTTTCTATC
	ACATGAMACA	CAGTGCAACA	GGACCGCTCA	ATGACTAAC	G GGAATTTCAC	CCTTTCTATG ACAAATTATA
	AATCAGCTTG	ATATGCGCTG	GCGACGTCGT	GUTCCCTT) American	GGAGACCGCT
	GAATGTGGAC	TGGCCTGCCT	GGC22TC2TA	TCCCGG11	A TICATCAGA(GGAGACCGCT TATTGACCTG
	ATATCTCTTC	GTCCT3 3Cmm	WINDLESS OF THE PROPERTY OF TH	TGCGGTCAT	T TTGGTAAGA:	A TATTGACCTG AGGAATCAAT
	GGS ATTACAGE	GICGIMAGIT	TAATCTCTCG	GCCCGTGGA	G CAAACCTTGC	AGGAATCAAT
	GORATAGCGG	ACCAGCTGGG	GATGATCACC	CGGGCTCTT	T CACTGGLGCT	AGGAATCAAT GGATGAACTT
	GGTGCCCTCA	AAATGCCGTG	TATTCTCCAC	TGGGATTTC	A CTC COTTOCT	CGTGCTGGTC
	AGCGTAAAGC	GTAACCGTTA	TGTACTGCAT	CATCCCCCC	a Gicaciico;	CGTGCTGGTC ATATCTCGGT
	CGGGAGGAAX	TGAGCCGGTA	TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT	GMICCGGCC	A GAGGAAGAAG	ATATOTOGGT CGGAGGTGAA
	TTCCCGACCC	10.10003014	TI TACGGGC	ATTGCACTT	G AGGTCTGGCG	CGGAGGTGA
	22000000	AMACLCAGCA	AACCCGCATA	AGTOTOCGT	P CACTGATTAL	CAGTATTTAC
	GGTATTAAAA	GAACACTGGC	GAAAATTTTC	TGTCTGTCAG	· CTCTARTC	CAGTATTTAC AGCAATCAAT
	CTGGTAATGC	CGGTGGGAAC	TCAGCTGGTT	2000200200	CONTRACTOR	AGCAATCAAT GGGGGACGGA
	GGGCTGCTGA	CGCTTATTTC	TOCTOCCOTO	/COMPONENT/	a cawindagg	GGGGGACCGA GGCCGCGGTG
	AGTATGCTGC	GTGCATCCTC	CEC: GGCC1G	ATGTTCTTT;	A TATTGCTCAG TCATCAATAT	GGCCGCGGTG
	TOTOTOTOT	0700X.001C	CICACTGGTT	ATGAGCACG	TCATCAATAT	ACAGTGGGGAG
	2000.010.	TIMACCACCT	TCTCAGACTG	"CCGCTGGCAT	TCATCAATAT TTTTTGAACG	CCCTTTTTTTT
	GGTGATATCC	AGTCGCGTTT	TGGCTCCCTT	GACACTTTG	TTTTTGAACG A GGGCCACCTT	CCGIAAATTA
	STGGTTGGGG	CAATCATGGA	ころのエスエヤスエの	CTTCTCCCTC	A GGGCCACCTT FTTTTGTGAT	TACCACCTGT
	TATGGAGGAT	ATCTTACTTC	COMPARAGE CO.	0110100010	TTTTTGTGAT TGGTTTACGT	GATGCTGTTA
	CTGGTGACAT	100000000000000000000000000000000000000	SATAGITCTC	GGTTTTACCA	Y TEGTTTACGT	TCTTATTCGT
	COCCORDA	ACCOUNTACT A	CCGGCAAATA	TEGGAAGAA	V TGGTTTACGT V CTCTTGTCAG	GGCCCCCCC
	GCCAGCTCCT	ATTTTATGGA	AAGCCTGTAT	GGTATTGCC	. 00000333330	GGGGGCCCGG CCAGGGTATG
	GTCGGGATCC	GGGGAACACA	CACCCALTTY	CTC2222002	. CGGTAAAAAT : ATGCGATCAA	CCAGGGTATG '
	AAGTTAACCA	GGATGGATTE	COTOMOCOCO	CIGHAMAIAG	ATGCGATCAA CTTTTGTTGC	TTCAGGTATT
	CAGGTGGGGG	TTTT TOOL		GGAATAAATA	CTTTTGTTGC ATAATCAGAT	CGCCTGTGir
	\mcmmmana	TITIATUGUT	GGGTGCAAGC	CTTGTGATCG	ATAATCAGAT	GACTATAGGG
	Augiliores	CATTTGGTTC	TTTTCGTGGG	CAGTTTTCGG	ATAATCAGAT ATCGGGTTGC	THE SECTION OF THE SE
	AGTTTTCTTC	TTCAACTGAG	AATAATGAGT	CTGCATAATO	ATCGGGTTGC AGCGCATTGC	TICGCTGACC
	CTACATGAAA	AGGAAGAAAA	6333000033	\	AGCGCATTGC TTGCTGACAT	AGATATTGCA
	TC2CTCG333	CC)CCC)Cmm	OMANCOUCHA.	ATTGAAATCG	TTGCTGACAT	GAGCCCGGTT
	GGTCTGAATT	TGTCTGTGGC	TCCGGGAGAA	AGTGTGGCTS	AGTCAGCACA TAACTGGTGC	COCCE
	GGAAAAACCA	CATTAATGAA	AGTATTATGT	GGACTCTCTA	TAACTGGTGC AACCAGATAG	ULCCGGTGCC
	CTGGTTAATG	GCACGGATAT	200701300m	CONCIGITIO	AACCAGATAG ATTATCACCG	TGGAAAAGTA
	TGTGTTATCC	AGG1.CG1.CG6	CONTENT	ATAAATA	ATTATCACCG	TATGATAGCC
	GTGATAATGA	AAATGCCAAT	GGGGTATCAL	ACGTTOLOGG	GAGCAAGTCA GTGAACTGGG	TATTUATGAT
	TCCGGCGGTC	AAAAACACCO	יישה ליינים ביים ביים ביים ביים ביים ביים ביים	ACGLIAATAG	GTGAACTGGG	GGAAGGTCTT
	TTATTTATC	170100000		GCCCGAGCTT	GTGAACTGGG TATACCGGAA	ACCTGGAATA
		المراد المحاصل والمراد	MAGITCTCTT	GATACAGAAA	TATACCGGAA GTGAACGTTT	CGTTAITCCT

Offenlegungstag:

GCCATAAAAA	AAATGAATAT	CACCCGGGTG	ATTATTGCAC	ACAGAGAAAC	TACGTTGAGA
METGITGACA	GGATTATTIC	TATTITAAAAT	CCACTGGTGT	AACTTTGTAA	GGAGTTTTTCT
CGATGGGGGA	GGTCAAGAAG	GATATAAAAA	TAACAGTGAT	TGCTTTTGTT	ATCAATTATC
TGTTCTTTTA	TATTCCGGTG	TCATTATATC	TTAGTTATTA	CTATGGATAT	AATTTTTTTA
ATCTATATAT	GTTTTTTTA	TCACTTGTAG		ATCGTTGTGG	
ATTTTTACTT	CTTCACAAAT			ATGAGAAAAC	TTAAACGTGA
TGAAATAAAA	CAAATATCTG	GAGGTGACGG	GAATGACGG	CAGGCAGAAT	TATCTGAAAA
TGGTTCACTT	GCTGGTACGT	TTATTAGCCC	GGGATTTGGT	TCTATTGCAG	
AGGTGATAAA	GTACATTCAT		TGCGACGGTT		GGGCTTATAT
AGGTATAGGA	TTATCATCCC		CGGCAGAGGT	AGTCCCTCCA	
TGCGGGGAGT	GGAAGTTAAA	CCTTATATTC		ACATCAAGTG	
TATATGATAA	TGGTGCCTAT	GTAACGCTTT	A A COMPA COOR		
TATGCATACC	GCATAGTAAC	AATGCCAGTC		CCTCCGAACG	
AGAAAATGCT	CTGTTAATGA			TTATCATATG	AGATTGTAAC
CTGCATTCAT	CGACATGTGA	ACMA AMAMOO	TAGAAGCCAG	ATATTGTATT	CCTGCTATGA
	AACTAACGAT	AGTAATATGG	GCATTAACAG	GCCATTCGAC	TTTATTTTTG
GTAGATGTAA	TGCAGAAAAT	ACCAGAAAGA	GCATCAAAAA	TGTATGAAAG	TCAGTATATT
TAAACCAGAA	TOCAGAAAAT	ATGACTGATG	TTACAATAGC	AGAGGTGTAA	ATATTGTCAT
GAACAACAAC	MICICACAL	TTAAAAAGAC	ACCCTCGAAA	TACAATCTCT	TCATATACAG
GCGAGATCAT	IACAGAAGAA	AATATATTAA	TCCATAAAAT	GGCTCCCCAA	3 3 3 C 3 C 3 C 9 C 9 C 9
TAATCATTAT	CCATTCTTCC	GTTTTCCTCA	CTGCCAGCAG	ATAAGGGACA	3 3 TT 3 3 CTC 3 3
	IAAAGAGAAA	AGAGTAAAAA	AAACATCCAG	CCGAAAAGAA	CCMCMMCCM
ATCCTTCTCT	TITICGGAAG	AAAATAAAAT	ACAGTGGAAC	AAGAATTAGA	AATTCAGCAA
GAAATAATGC	IGGAACAAGA	AGTCCCCTGG	ATATAAGTTC	CTGCCTCTTT	GTAAGAAATG
CAGGAATAAA		AATGATAAAG	TAAACATTGA	AAAGCAGCCG	GCTGATGACT
GTTTTTTTAT	AGTTGCATTT		TCATTTCCAT	T	JOIGHT GAC:

Organisation des Gen-Clusters der mcm-Region aus E. coli DSM 6601 mit den Vergleich mit den Gen-Clustern für die Produk--Prozessierung und -Ausscheidung notwendigen Colicin V (mitte) Genabschnitten (unten) und (open) für die Microcin-Synthese, tion von Microcin 24 Abbildung la

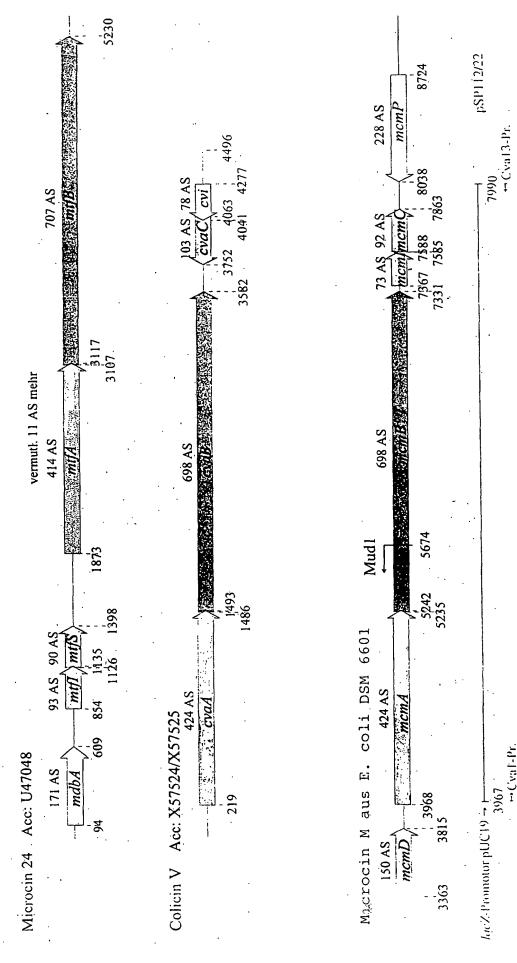


Abbildung 2 Aminosäuresequenz des antimikrobiellen Peptids (Microcin M, McmC) aus E. coli DSM 6601

Protein 1	DGNDGQAELIAIGSLAGTFIS	PGFGSIAGAYIGDKVHS
	WATTATVSPSMSPSGIGLSSC	FGSGRGTSSASSSAGSGS

Abbildung 3 Uberlappende Oligopeptide (Teilsequenzen) aus dem antimikrobiellen Peptid (Microcin M, McmC) aus E. coli DSM 6601

Peptide	Mol. Weight	Weight (mg)	mmol	Mixture	Protein
	(mol/g)		ļ		
1. DGNDGQAELIAIGSLA	1543.7	0.46	0.0003	M.1	1
2. GQAELIAIGSLAGTFI	1560.8	0.47	0.0003	M.1	1
3. IAIGSLAITFISPGFG	1507.8	0.45	0.0003	M.i	
4. LAGTFISPGFGSIAGA	1465.7	0.44	0.0003	M.1.	
5. ISPGFGSIAGAYIGDK	1552.8	0.47	0.0003	M.1	1
6. GSIAGAYIGDKVHSWA	1631.8	0.49	0.0003	M. I	i
7. AYIGDKVHSWATTATV	1719.9	0.52	0.0003	M. 1	
8. KVHSWATTATVSPSMS	1689.9	0.51	0.0003	M.1	
9. ATTATVSPSMSPSGIG	1463.6	0.44	0.0003	M.1	1
10. VSPSMSPSGIGLSSQF	1580.8	0.47	0.0003	M.i	i
11. SPSGIGLSSQFGSGRG	1493.6	0.45	0.0003	M. I	i
12. GLSSQFGSGRGTSSAS	1485.6	0.45	0.0003	M.1	1
13. FGSGRCTSSASSSAGS	1402.4	0.42	0.0003	M.1	1
14. SGRGTSSASSSAGSGS	1342.3	0.40	0.0003	M.1	i